

Comunicación Oral

¿Tienen los fagos algún papel en la transferencia de genes de virulencia en *Vibrio vulnificus*?

Carmona-Salido, H., Wedling C.C., Amaro, C.

El género *Vibrio* está formado por una gran variedad de especies propias de ecosistemas marinos y salobres, entre las que destacan las que son patógenas para organismos acuáticos y/o seres humanos. *Vibrio vulnificus* es, de entre todas ellas, la única con potencial zoonótico siendo capaz de causar una muerte rápida por septicemia en todos sus hospedadores tanto por ingestión como por contacto. Recientemente, se ha demostrado que las piscifactorías ejercen un importante papel en la evolución de esta especie, al favorecer los fenómenos de transferencia horizontal de genes de virulencia.

En el presente estudio, nos hemos centrado en los fagos, por la importancia que tienen tanto como portadores de genes de virulencia como por ser una herramienta terapéutica cada vez más utilizada en el tratamiento de las enfermedades infecciosas. En consecuencia, el objetivo de este trabajo ha sido determinar el espectro de fagos en la especie *V. vulnificus* usando una aproximación genómica y fenotípica. Para ello, hemos analizado con distintas herramientas bioinformáticas la presencia de profagos en más de 310 genomas de cepas aisladas de muestras ambientales, clínicas animales y clínicas humanas en cinco continentes diferentes. Hemos encontrado representantes de las familias Inoviridae y Myoviridae y nos hemos centrado en los primeros, por ser los más interesantes como portadores de genes de virulencia en *Vibrio*. Así, hemos analizado su contenido genético y relaciones evolutivas, así como aislados representantes de estos fagos y determinado su espectro de hospedadores. En estos momentos estamos investigando la presencia de genes de virulencia en estos fagos.